

王秀玲 | Xiuling Wang

气候梯度 · 环境微生物生态 · 生态统计

wang.xiuling@outlook.com | Academic website | ORCID: 0000-0002-8006-7162

现居中国，可全职开展新项目；申请博士后及相关科研岗位。

研究简介

研究气候梯度、土壤深度与环境条件如何影响微生物群落及功能潜力。博士阶段参与跨机构 EarthShape 计划，以智利干旱至湿润梯度为研究系统，结合 iDNA/eDNA、扩增子与宏基因组数据开展一项连贯的土壤微生物生态研究，形成细菌、古菌与功能基因三篇论文。已发表7篇同行评议论文，其中4篇为第一或共同第一作者、3篇为通讯作者。

研究经历与国际合作

博士研究生 | GFZ，德国波茨坦 | 2019–2025

围绕智利气候梯度与深层土壤开展分子实验、群落统计、环境关联分析与论文写作；优化低生物量土壤 DNA 提取流程。宏基因组工作侧重下游分类与功能数据整合、统计分析和生态解释，上游生物信息处理由合作者完成。

通过跨机构 EarthShape 项目积累德国与智利科研协作经验，与原合作同事保持联系。熟悉跨气候带研究的样品、数据与协作流程，可为后续比较研究对接相关研究人员。导师：Dirk Wagner；第二导师：Thomas Friedl；研究指导：Lars Ganzert。

合作研究与科研指导 | 2025–2026 支持土壤 DNA 分级研究与食用菌表面微生物群落研究，承担研究设计、统计分析、论文修订和通讯作者工作。

科研实习 | 上海市农业科学院食用菌研究所 | 2018–2019 研究贮藏温度与食用菌表面细菌群落变化。

教育经历与博士进度

2019–至今：波茨坦大学，博士在读，研究在 GFZ 开展，学位尚未授予。主体研究和综合章节初稿已完成；古菌论文已投稿，宏基因组完整稿件已完成并继续修订。后续论文与学位收尾可与新项目并行。

2016–2019：石河子大学，生态学硕士；2011–2015：郑州师范学院，地理学学士。

技术与语言

R：数据整理、多变量统计、群落与环境关联分析、可视化及可复现流程。二代测序相关分析：16S/ITS 扩增子与宏基因组下游分析。实验：低生物量 DNA 提取、iDNA/eDNA 分离、PCR、qPCR。中文母语；英语科研交流。

已发表论文

7篇；以下按发表时间排列。

1. Chenyi Mao, Xiuling Wang (2026). Depth-dependent differences between direct total DNA and an intracellular-DNA-enriched fraction in bulk-soil bacterial and fungal communities of a *Lonicera japonica* field. *BMC Microbiology*. DOI / Article
唯一通讯作者
2. Xiuling Wang, Gaodu Liang, Li Zhuang (2026). Rhizosphere fungal communities of four *Ferula* species in their native habitats in northern Xinjiang. *Rhizosphere* · 39 · 101421. DOI / Article
第一及共同通讯作者
3. Jingming Ma, Mingzheng Zhang, Qian Liu, Xiuling Wang (2026). Mechanical Damage Modulates Bacterial and Fungal Succession on the Surface of *Hypsizygus marmoreus* During Refrigerated Storage. *Microorganisms* · 14(4) · 762. DOI / Article
共同通讯作者
4. Xiuling Wang, Lars Ganzert, et al. (2024). The effects of climate and soil depth on living and dead bacterial communities along a longitudinal gradient in Chile. *Science of the Total Environment* · 945 · 173846. DOI / Article
第一作者
5. Xiuling Wang, Shunjie Liu, et al. (2019). Low Temperature (15 °C) Reduces Bacterial Diversity and Prolongs the Preservation Time of *Volvarela volvacea*. *Microorganisms* · 7(10) · 475. DOI / Article
共同第一作者
6. Xiuling Wang, Zhongke Wang, et al. (2018). Bacterial diversity and community structure in the rhizosphere of four *Ferula* species. *Scientific Reports* · 8 · 5345. DOI / Article
第一作者
7. Zhong-Ping Tian, Xiu-Ling Wang, Xiao-Yi Zhao, Li Zhuang (2016). A unique mountainous vertical distribution patterns and related environmental interpretation – a case study on the northern slope of the Ili River Valley. *Pakistan Journal of Botany* · 48(5) · 1877–1886. DOI / Article
第二作者

已投稿与待投稿稿件

- Xiuling Wang, Alexander Bartholomäus, Lars Ganzert, Thomas Friedl, Rómulo Osés, Dirk Wagner. Soil archaeal communities in intra- and extracellular DNA share broad regional patterns but diverge locally along the Chilean Coastal Cordillera.
已投稿 *Applied Soil Ecology* (2026年9月)
- Xiuling Wang, Alexander Bartholomäus, Sizhong Yang, Lars Ganzert, Thomas Friedl, Rómulo Osés, Dirk Wagner. Scale-dependent organisation of cell-associated microbial functional genes across climate-soil systems and soil depth in granitoid soils of the Chilean Coastal Cordillera.
完整稿件已完成；拟投稿 *Geoderma*